



Datos Personales

IDENTIDAD

Nombre en citaciones bibliográficas: VAZQUEZ G.E.
Documento: Cédula de identidad uruguay - 60717172 , Pasaporte/Documento extranjero - AAE084700
Sexo: Masculino
País de pasaporte: Argentina
Fecha de nacimiento: 14/06/1972
Lugar de nacimiento: Argentina / Bahía Blanca
País de Nacionalidad: Argentina

GUSTAVO ESTEBAN
VAZQUEZ
Dr.



<http://www.ucu.edu.uy/es/gustavo-vazquez>
Av. 8 de Octubre 2801,
Montevideo, CP 11600

SNI
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información
Categorización actual: Nivel II (Activo)

Fecha de publicación: 09/07/2025
Última actualización: 09/07/2025

Datos Generales

INSTITUCIÓN PRINCIPAL

Universidad Católica del Uruguay/ Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Departamento de Informática / Uruguay

DIRECCIÓN INSTITUCIONAL

Institución: Universidad Católica del Uruguay / Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Sector Educación Superior/Privado / Departamento de Informática
Dirección: Av. 8 de Octubre 2801 / 11600
País: Uruguay / Montevideo / Montevideo
Teléfono: 24872717
Correo electrónico/Sitio Web: gustavo.vazquez@ucu.edu.uy <http://www.ucu.edu.uy/es/gustavo-vazquez>

Formación

Formación académica

CONCLUIDA

DOCTORADO

Doctorado en Ciencias de la Computación (1998 - 2002)

Universidad Nacional del Sur , Argentina
Título de la disertación/tesis/defensa: Procesamiento paralelo distribuido heterogéneo aplicado a ingeniería de procesos
Tutor/es: Nélida Beatriz Brignole
Obtención del título: 2002
Sitio web de la disertación/tesis/defensa: <http://cs.uns.edu.ar/~gev/Tesis Doctoral Gustavo Vazquez - 2002.PDF>

Financiación:

Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas , Argentina
Palabras Clave: Procesamiento Paralelo Ingeniería de procesos Optimización
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

GRADO

Licenciatura en Ciencias de la Computación (1991 - 1996)

Universidad Nacional del Sur , Argentina
Título de la disertación/tesis/defensa: Reducción de sistemas de ecuaciones diferenciales y lineales
Obtención del título: 1996
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Formación complementaria

CONCLUIDA

CURSOS DE CORTA DURACIÓN

Análisis y predicción de características complejas usando datos genómicos (01/2015 - 01/2015)

Sector Organizaciones Privadas sin Fines de Lucro/Sociedades Científico-Tecnológicas / Institut Pasteur de Montevideo / Institut Pasteur de Montevideo , Uruguay
30 horas

Global Entrepreneurial Marketing (01/2014 - 01/2014)

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación , Uruguay
20 horas

PARTICIPACIÓN EN EVENTOS

Diseño de cursos universitarios para aprendizaje significativo (2015)

Tipo: Seminario
Institución organizadora: Universidad Católica del Uruguay, Uruguay

Idiomas

Ingles

Entiende muy bien / Habla bien / Lee muy bien / Escribe muy bien

Areas de actuación

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática /Bioinformática

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Información y Bioinformática /Informática Química

CIENCIAS NATURALES Y EXACTAS

Ciencias de la Computación e Información /Ciencias de la Computación /Aprendizaje automático

Actuación profesional

SECTOR EDUCACIÓN SUPERIOR/PRIVADO - UNIVERSIDAD CATÓLICA DEL URUGUAY - URUGUAY

Facultad de Ingeniería y Tecnologías / Departamento de Informática

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Otro (03/2019 - a la fecha)

Profesor Titular 30 horas semanales

Otro (03/2016 - a la fecha) Trabajo relevante

Director del Departamento de Informática 10 horas semanales

Otro (02/2014 - 02/2019)

Profesor Asociado 30 horas semanales

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Desarrollo de métodos computacionales para bioinformática y química informática (03/2019 - a la fecha)

Determinar el valor de diferentes propiedades para una entidad o realizar una clasificación en función de características específicas constituye un importante desafío de la ciencia en la actualidad. Dado que los métodos clásicos involucran el uso de técnicas experimentales para obtener estos valores, existen numerosas razones para desarrollar métodos computacionales para la estimación de los mismos. Las ventajas se concentran fundamentalmente en la reducción de costos de experimentación, ahorro de tiempo, seguridad, disponibilidad de las muestras, etc. Esta área de la informática puede recibir diferentes denominaciones en función de las entidades a estudiar. Cuando las mismas son a nivel atómico/molecular se denomina química computacional o informática molecular, cuando estas ocurren a nivel de sistemas biológicos se denomina bioinformática. Para abordar estos problemas la metodología QSAR (Quantitative structure-activity relationship) ha sido una de las estrategias más difundidas; ésta consiste en relacionar cuantitativamente diferentes parámetros de una entidad con un proceso bien definido de la misma. Uno de los campos de aplicación ha sido la química computacional, donde diferentes atributos de una molécula (descriptores) son relacionados con una propiedad de interés. También una actividad biológica puede ser expresada cuantitativamente como la concentración de una sustancia requerida para que suceda una determinada respuesta biológica. De esta manera se busca establecer una relación y predecir el comportamiento para nuevos casos de los cuales no se dispone de información experimental. En esta línea de investigación se propone fundamentalmente el desarrollo de modelos predictivos, fundamentalmente mediante el uso de técnicas que permitan la explicabilidad de dichos modelos. Esto puede provenir del desarrollo de técnicas que utilizan principios de visual analytics, explainable AI, etc. Esta línea de investigación es continuación de la que había iniciado a partir de Marzo de 2014 con mi arribo a la Universidad Católica del Uruguay

Aplicada

15 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: VAZQUEZ G.E.

Nuevas direcciones para el Cómputo Hiperdimensional (08/2023 - a la fecha)

El cómputo hiperdimensional (HyperDimensional Computing ó HDC) es un acercamiento alternativo a la inteligencia artificial basado en el uso de operaciones algebraicas muy simples aplicadas a vectores de muy altas dimensiones. Por la simplicidad de su estructura, este acercamiento lleva a algoritmos de clasificación que, a diferencia de los métodos de aprendizaje profundo (deep learning), permiten una interpretación clara de sus resultados y usan menos recursos energéticos y de cómputo. Adicionalmente los algoritmos basados en HDC poseen la capacidad de razonar de manera simbólica sobre conceptos agregados, lo que los hace los mejores métodos disponibles para resolver tareas complejas de razonamiento por analogía, que son difíciles incluso para los seres humanos. En este proyecto proponemos nuevos algoritmos para entrenamiento e inferencia de clasificadores HDC, nuevos modelos algebraicos / geométricos para cómputo HDC y nuevos teoremas que relacionan el comportamiento de HDC y las matemáticas de la adquisición compresiva (compressive sensing). El proyecto traerá al Uruguay las capacidades técnicas para el desarrollo de algoritmos HDC y abrirá la puerta para el desarrollo de una industria en inteligencia artificial basada en HDC que sea menos demandante en recursos y energía y que genere modelos explicables.

Fundamental

20 horas semanales , Coordinador o Responsable

Equipo: VAZQUEZ G.E.

Palabras clave: Aprendizaje automático Cómputo hiperdimensional

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Nuevas direcciones para el Cómputo Hiperdimensional (FCE_1_2023_1_176242) (12/2023 - a la fecha)

Proyecto ganador FCE_1_2023_1_176242 - Período Feb 2024/Febrero 2027 El cómputo hiperdimensional (HyperDimensional Computing ó HDC) es un acercamiento alternativo a la inteligencia artificial basado en el uso de operaciones algebraicas muy simples aplicadas a vectores

de muy altas dimensiones. Por la simplicidad de su estructura, este acercamiento lleva a algoritmos de clasificación que, a diferencia de los métodos de aprendizaje profundo (deep learning), permiten una interpretación clara de sus resultados y usan menos recursos energéticos y de cómputo. Adicionalmente los algoritmos basados en HDC poseen la capacidad de razonar de manera simbólica sobre conceptos agregados, lo que los hace los mejores métodos disponibles para resolver tareas complejas de razonamiento por analogía, que son difíciles incluso para los seres humanos. En este proyecto proponemos nuevos algoritmos para entrenamiento e inferencia de clasificadores HDC, nuevos modelos algebraicos / geométricos para cómputo HDC y nuevos teoremas que relacionan el comportamiento de HDC y las matemáticas de la adquisición compresiva (compressive sensing). El proyecto traerá al Uruguay las capacidades técnicas para el desarrollo de algoritmos HDC y abrirá la puerta para el desarrollo de una industria en inteligencia artificial basada en HDC que sea menos demandante en recursos y energía y que genere modelos explicables.

20 horas semanales

Departamento de Informática

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: VAZQUEZ G.E. (Responsable)

Palabras clave: Aprendizaje automático Cómputo hiperdimensional

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación e Información / Inteligencia Artificial

Aprendizaje Automático con Garantías Matemáticas (FCE_1_2023_1_176172) (12/2023 - a la fecha)

Proyecto Financiado FCE_1_2023_1_176172 - Feb 2024/Feb 2026

5 horas semanales

Departamento de Informática

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: VAZQUEZ G.E.

Palabras clave: Aprendizaje automático Sumas de cuadrados Estabilidad de GNNs

Aprendizaje de habilidades sociales en personas con discapacidad intelectual y personas con desarrollo normativo mediante tecnología digital (12/2019 - 12/2021)

Las nuevas tecnologías ofrecen posibilidades no solo de acceso a la información y comunicación, sino también permiten el aprendizaje de habilidades socioafectivas. Específicamente, el uso de la realidad virtual como herramienta que permite simular entornos y manipularlos con un fin terapéutico para que el sujeto los vivencie como si ocurriera en un entorno verdadero, posibilita el aprendizaje guiado de habilidades sociales que pueden transferirse a situaciones de la vida real. En relación con esto, se entiende que las habilidades sociales son críticas para interacciones sociales efectivas y que, por ende, el uso de procedimientos para la enseñanza de habilidades sociales podrían ser beneficiosos para aquellas personas que presenten déficits en competencias de interacción social, como pudieran ser aquellas diagnosticadas con discapacidad intelectual. Este proyecto pretende desarrollar un herramienta de intervención digital, mediante realidad virtual, con el que desarrollar habilidades sociales en personas con y sin discapacidad intelectual.

5 horas semanales

Facultad de Psicología

Otra

Integrante del Equipo

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: VAZQUEZ G.E.

Palabras clave: habilidades sociales discapacidad intelectual realidad virtual

Proyecto STIC-AmSud - SNPs-PHE: Computational models for predicting SNPs-phenotype associations (03/2017 - 03/2019)

Project Code 17STIC-07 In a medical post-genomic age the accurate diagnosis of common complex diseases requires a clear correlation between genotype variants and phenotype diseases. As expected, with the advance in Next Generation Sequencing (NGS) technologies, new approaches for the meta-analysis of genetic association studies began to emerge. For all these new approaches, the major challenge is to understand the correlation between SNPs and phenotypic traits.

Advances in this problem offer unprecedented opportunities to foster translational health research. However, the high diversity observed in genomes of natural populations, in the order of millions of SNPs, together with the hardness of modeling the underlying genomics and systems biology turns the problem of predicting SNP-phenotype associations hard to deal with. In this proposal, a multigenic prototype model for predicting non-trivial associations between SNPs and the eye color defective trait in the model organism *Drosophila melanogaster* is considered. For this purpose, SNPs are modeled as information sources and machine learning methods for modeling complex interactions between information sources are considered. We expect these models can be able to, i) differentiate between two main types of SNPs interactions, redundant and complementary, and ii) to quantify their contributions to the phenotypic trait under study. To accomplish these computational objectives, a two-stage approach based on a supervised fuzzy-measure characterization of sets of SNPs is assumed. The key elements of innovation in this proposal are the integration of expert knowledge to machine learning models and the use of fuzzy measures to aid in the interpretation of SNPs interactions. Coordinación General del proyecto: Pilar Bulacio (Centro Internacional Franco Argentino de Ciencias de la Información y de Sistemas (CIFASIS), UNR, CONICET) Argentina Coordinador regional Francia: Sébastien Destercke (Université de Technologie de Compiègne, Centre de recherche de Royallieu) Coordinador regional Uruguay: Gustavo Vazquez (Universidad Católica del Uruguay) Página web del proyecto: <http://www.cifasis-conicet.gov.ar/bioinformatica/blog/index.html>

5 horas semanales

Universidad Católica del Uruguay , Facultad de Ingeniería y Teconologías

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:1

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Cooperación

Ministerio de Educación, Ciencia y Tecnología de la República Argentina., Argentina, Cooperación

Centre National de la Recherche Scientifique (CNRS), Francia, Cooperación

Equipo: Gustavo Esteban VAZQUEZ

Áreas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Bioenergía Forestal (04/2014 - 12/2015)

Código: IAI_X_2011_1_2949 Área del Proyecto: Biotecnología El proyecto Bioenergía_Forestal apunta al desarrollo de tecnologías que soporten la gestión de plantaciones forestales para el suministro rentable y sostenible de biomasa destinada a producción de biocombustibles sólidos. Este tipo de plantaciones permitirían sustentar la instalación de nuevos negocios (producción de pellets dendroenergéticos y cogeneración electricidad-vapor) que serán gestionados por las empresas proponentes, previéndose su incorporación al paquete tecnológico que será utilizado en posteriores fases de escalamiento productivo. La innovación propuesta consiste en integrar, validar, e implantar a nivel productivo un sistema de gestión tecnológica intensivo en conocimiento que combina herramientas bioinformáticas, ensayos biotecnológicos y composicionales a nivel de laboratorio y validaciones experimentales a nivel de campo, como respaldo al desarrollo de una cadena productiva de biocombustibles sólidos para exportación (en particular pellets para uso industrial) y mercado interno (generación de vapor y cogeneración vapor-electricidad). Existen tres áreas principales de aplicación comercial para la biomasa producida a partir de las plantaciones dendroenergéticas que serán establecidas con apoyo del sistema tecnológico propuesto: 1) producción de pellets de madera de alta densidad energética destinados al mercado europeo de generación de energía eléctrica, 2) abastecimiento logístico de biomasa con alto valor energético como fuente de energía más eficiente para diversas industrias, y 3) abastecimiento logístico de biomasa con alto valor energético para abastecer nuevas cogeneraciones vapor-electricidad a instalarse en el marco de desarrollo del sector de biocombustibles y energías renovables en Uruguay. El proyecto se considera de alto impacto por su potencial para contribuir al desarrollo del sector de energías renovables dentro de la matriz energética de Uruguay, impulsando un

crecimiento de la base productiva para biomasa cultivada en forma sostenible, y favoreciendo el posicionamiento competitivo de los biocombustibles basados en plantaciones dendroenergéticas, como productos intensivos en conocimiento que agregan valor a cadenas productivas insertas dentro del marco internacional de la bioeconomía.

5 horas semanales

Universidad Católica del Uruguay , Facultad de Ingeniería y Teconologías

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

Financiación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay, Apoyo financiero

Teyma SA, Uruguay, Apoyo financiero

Equipo: Gustavo Esteban VAZQUEZ

Palabras clave: Bioenergía Forestal Modelado Matemático Sistemas de Soporte de Decision

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

DOCENCIA

Ingeniería en Informática (02/2014 - a la fecha)

Grado

Responsable

Asignaturas:

Investigación Operativa, 10 horas, Teórico-Práctico

Simulación, 64 horas, Teórico-Práctico

Maestría en Ciencia de Datos (03/2023 - a la fecha)

Maestría

Responsable

Asignaturas:

Aprendizaje Automático, 64 horas, Teórico-Práctico

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Universidad Nacional del Sur

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (08/2005 - 02/2014) Trabajo relevante

Jefe de trabajos prácticos 10 horas semanales / Dedicación total

Dedicación Exclusiva, área VI - Aplicaciones - Dto. de Ciencias e Ingeniería de la Computación (Universidad Nacional del Sur), asignatura MÉTODOS EN COMPUTACIÓN CIENTÍFICA (extensión SIMULACIÓN). Acceso al mismo por inscripción de títulos, antecedentes y oposición.

Hasta 31 de Julio de 2013 (resolución CDCIC-Nº108/08; cambio dedicación exclusiva resolución CDCIC-Nº165/06).

Funcionario/Empleado (04/2005 - 12/2006)

Profesor interino 10 horas semanales

Profesor interino asignatura SIMULACIÓN DE MODELOS ADMINISTRATIVOS Primer cuatrimestre 2006 - Designación directa CDCA 017/06 (extensión de funciones, por el término de 10 meses) y Primer cuatrimestre 2005 - Designación directa CDCA 488/04 (extensión de funciones, por el término de 4 meses). Departamento de Ciencias de la Administración. UNS. Bahía Blanca.

Funcionario/Empleado (03/2004 - 06/2006)

Profesor 10 horas semanales

Profesor asignatura PROCESAMIENTO DE DATOS (Programa PEUZO - Universidad Provincial del Sudoeste organizado por Universidad Nacional del Sur) Primer cuatrimestre 2006 - Designación directa CDCIC-264/05. TALLER DE OPERACIÓN DE COMPUTADORAS PERSONALES (Programa PEUZO) Segundo cuatrimestre 2005 - Designación directa. INTRODUCCIÓN A LA OPERACIÓN DE COMPUTADORAS PERSONALES (Programa PEUZO) Primer cuatrimestre 2005 - Designación directa CDCIC-232/04. PROCESAMIENTO DE DATOS

(Programa PEUZO) Primer cuatrimestre 2004 - Designación directa CDCIC-205/03. UNS. Bahía Blanca.

Funcionario/Empleado (08/1995 - 07/2005)

Ayudante de docencia 10 horas semanales

Ayudante de Docencia categoría A. Asignaturas Computación Científica, Simulación, Sistemas Operativos. Universidad Nacional del Sur, Departamento de Ciencias e Ingeniería de la Computación. Resoluciones CDCIC-Nº024/04, CDCIC-Nº009/05, CDCIC-Nº051/03, CDCIC-Nº105/04, CDCIC-Nº198/03, CDCC-Nº150/01, CDCC-Nº039/99, MD-Nº028/96, MD-Nº208/95

ACTIVIDADES

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

Métodos de Predicción Basados en Técnicas de Aprendizaje Automático para el Diseño de Modelos QSAR/QSPR en Informática Molecular (01/2012 - 12/2015)

PGI. Código del Proyecto: no asignado aún. En este proyecto se desarrollarán métodos basados en inteligencia computacional para mejorar el desempeño de los métodos QSAR (Quantitative Structure-Activity Relationship) en la predicción de propiedades. Para alcanzar este objetivo, las investigaciones se centrarán en el desarrollo de técnicas de feature selection (selección de atributos) para minimizar el uso de descriptores (y así aumentar la generalidad del método). También se desarrollarán técnicas de dominio de aplicación de modelos. Los casos de estudio se orientarán hacia diferentes problemas asociados a informática molecular (predicción de propiedades ADME-Tox, polímeros, mezclas de materiales, etc).

20 horas semanales

Universidad Nacional del Sur

Desarrollo

Coordinador o Responsable

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: MARTINEZ M.J. , CECCHINI R. , PONZONI I. , SOTO A.J. , DIAZ M.L. , PALOMBA D

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PGI 24/N019 y 24/N026: Aplicaciones de Computación Científica (01/2006 - 12/2012)

Proyectos continuados Códigos PGI 24/N019 (2006-2009) y PGI 24/N026 (2009-2012). El propósito general de esta línea de investigación es el desarrollo de nuevos métodos computacionales para resolver eficientemente problemas complejos de predicción de propiedades, simulación e instrumentación de plantas que surgen en Ingeniería de Procesos Industriales. Se realizará la reingeniería de nuestro Sistema de Soporte de Decisión para diseño de instrumentación. Se trabajará en la estandarización de módulos de simulación de equipos industriales y predicción de propiedades según las especificaciones CAPE-Open. Con respecto al área de bioinformática, se aplicarán técnicas de aprendizaje automático (incluyendo programación genética y redes neuronales) y computación científica para la predicción de parámetros ADME-Tox

5 horas semanales

Universidad Nacional del Sur , Departamento de Ciencias de la Computación

Investigación

Integrante del Equipo

En Marcha

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:4

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: DIAZ M.L. , OLIVERA A.C. , GALLO C. , BRIGNOLE N.B. (Responsable) , CARBALLIDO J. , CECCHINI R. , PONZONI I.

Palabras clave: Modelamiento Computación Científica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

PGI 24/ZN16: Diseño de métodos basados en inteligencia computacional para la predicción in-silico de propiedades ADME-Tox (01/2008 - 12/2011)

Código de Proyecto: PGI 24/ZN16 En este proyecto se desarrollan métodos basados en inteligencia computacional para mejorar el desempeño de los métodos QSAR (Quantitative Structure-Activity Relationship) en la predicción de propiedades. Para alcanzar este objetivo, las investigaciones se centran en el desarrollo de técnicas de feature selection (selección de atributos) y clustering (agrupamiento de datos) tanto para minimizar el uso de descriptores (y así aumentar la generalidad del método) como para desarrollar en forma sistemática modelos de predicción específicos para familias de datos. Los casos de estudio se orientan hacia problemas de química computacional, especialmente la predicción de propiedades ADME-Tox.

20 horas semanales

Universidad Nacional del Sur

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: CECCHINI R., PONZONI I., SOTO A.J., PALOMBA D

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PGI 24/ZN15: Técnicas de Aprendizaje Automático y Computación Evolutiva aplicadas al Diseño de Modelos Predictivos en Bioinformática (01/2008 - 12/2011)

Código de Proyecto: 24/ZN15 Este proyecto tiene por principal objetivo desarrollar modelos predictivos, basados en el uso de técnicas de computación evolutiva y aprendizaje automático, para adquisición de conocimientos en el ámbito de Bioinformática. Al respecto, la motivación general del proyecto no apunta únicamente al diseño de métodos de inferencia, sino también al desarrollo de una arquitectura de software integral que facilite y guíe las distintas etapas vinculadas al modelado y simulación in silico de procesos biológicos y fisicoquímicos, mediante un tratamiento sistemático asistido por computadora.

10 horas semanales

Universidad Nacional del Sur , Departamento de Ciencias de la Computación

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: GALLO C., CARBALLIDO J., CECCHINI R., PONZONI I. (Responsable)

Palabras clave: Bioinformatica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

DOCENCIA

Licenciatura en Ciencias de la Computación (08/2005 - 02/2014)

Grado

Responsable

Asignaturas:

Simulación, 10 horas, Teórico-Práctico

Métodos en Computación Científica, 10 horas, Teórico-Práctico

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Licenciatura en Administración de Empresas (04/2005 - 12/2006)

Grado

Asignaturas:

Simulación de Modelos Administrativos, 4 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Sociales / Economía y Negocios / Negocios y Administración / Administración de Empresas

Tecnicaturas de la Universidad Provincial del Sudoeste (UPSO) (03/2004 - 06/2006)

Técnico nivel superior
Responsable
Asignaturas:
Procesamiento de datos, 10 horas, Teórico-Práctico
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

PASANTÍAS

(12/1995 - 04/1996)

Universidad Nacional del Sur, Dirección General de Economía y Finanzas
30 horas semanales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

GESTIÓN ACADÉMICA

Miembro de la comisión curricular de la carrera Técnico Superior en Administración y Gestión de Recursos para Instituciones Universitarias (01/2011 - a la fecha)

Universidad Nacional del Sur, Comisión Curricular
Participación en consejos y comisiones
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Miembro Comisión Curricular de la carrera de Ingeniería en Sistemas de Computación (06/2003 - a la fecha)

Universidad Nacional del Sur
Participación en consejos y comisiones
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/OTROS - ARGENTINA

Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Funcionario/Empleado (05/2005 - 02/2014) Trabajo relevante

Investigador Adjunto 45 horas semanales / Dedicación total
La carga horaria semanal (45 hs) incluye como parte de las actividades la función docente (6 hs presenciales en aula o consultas adicionales, total 10hs semanales), formación de RRHH (8 hs) y actividad de gestión (1 h). La actividad de formación de RRHH se comparte con las tareas de investigación.

Becario (08/2002 - 06/2005)

Becario Posdoctoral CONICET 45 horas semanales / Dedicación total

Becario (08/1998 - 03/2002)

Becario de formación de posgrado Doctoral 45 horas semanales / Dedicación total

ACTIVIDADES

LÍNEAS DE INVESTIGACIÓN

Desarrollo de métodos computacionales para bioinformática y química informática (01/2005 - a la fecha)

30 horas semanales

Conicet, Universidad Nacional del Sur , Coordinador o Responsable

Equipo:

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular

Procesamiento Paralelo aplicado a problemas de Ingeniería Química (04/1998 - 12/2004)

45 horas semanales

Conicet, Planta Piloto de Ingeniería Química , Coordinador o Responsable

Equipo:

Palabras clave: Observability Analisys Procesamiento Paralelo Optimización

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

PROYECTOS DE INVESTIGACIÓN Y DESARROLLO

PIP 11220090100322 - Desarrollo de Técnicas de Computación Evolutiva Multiobjetivo y Aprendizaje Automático orientadas al Diseño de Modelos Predictivos en Bioinformática. Inferencia de Redes Regulatorias de Genes y Predicción de Propiedades ADMET (01/2010 - 12/2012)

PIP 11220090100322 Las metas de este proyecto están orientadas a desarrollar modelos predictivos para adquisición de conocimientos en el ámbito de Bioinformática. En particular, se planifica desarrollar metodologías para abordar de manera integral dos aplicaciones de gran relevancia: la inferencia de redes regulatorias de genes (GRNs), y la predicción de propiedades ADMET para el diseño in-silico de medicamentos. El primer problema consiste en reconstruir la estructura de GRNs mediante algoritmos de inferencia. La meta es lograr deducir asociaciones regulatorias entre genes a partir de datos de expresión genética obtenidos con microarrays. Esta tarea presenta varios aspectos desafiantes. Una de ellas está dada por las dificultades existentes para descubrir relaciones de regulación con efecto diferido en el tiempo. Este es un problema abierto para la comunidad de Bioinformática, el cual empezó a ser abordado recientemente. Por otra parte, una vez reconstruida la dinámica de una GRN, es necesario proveer mecanismos de validación que evalúen la consistencia del sistema temporal obtenido por la inferencia. Estos aspectos centrales, inferencia de relaciones de regulación diferidas en el tiempo y verificación del comportamiento dinámico discreto de las redes, son los que se busca atacar con la concreción de este proyecto. Para la inferencia se propone usar técnicas de aprendizaje automático y computación evolutiva, mientras que para el segundo, se propone el uso de técnicas de verificación formal de sistemas. La segunda aplicación también consiste en diseñar algoritmos de predicción mediante técnicas de inteligencia computacional. En particular, apunta a desarrollar nuevos métodos QSAR para predicción de propiedades fisicoquímicas que mejoren el desempeño de las técnicas existentes. En la actualidad este problema presenta varias aristas, lo cual complejiza su resolución. En tal sentido, este proyecto apunta a mejorar el proceso de entrenamiento predictivo, mediante la construcción de modelos con mejores propiedades de generalización. En particular, nuestra propuesta consiste en diseñar técnicas de selección de atributos, para minimizar el uso de descriptores y así aumentar la generalidad del método, y técnicas de agrupamiento de compuestos, para desarrollar sistemáticamente modelos de predicción específicos para familias de datos.

20 horas semanales

Conicet , UNS

Investigación

Coordinador o Responsable

En Marcha

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: PONZONI I. (Responsable) , CARBALLIDO J. (Responsable)

Palabras clave: Molecular Modeling Chemoinformatics Bioinformatica

Areas de conocimiento:

Proyecto de Cooperación Internacional Alemania-Argentina AL0811: Modelamiento adaptivo de relaciones estructura-actividad e identificación de marcadores biológicos y químicos a partir de datos high-throughput mediante métodos de inteligencia computacional (02/2009 - 01/2011)

Proyecto de Cooperación Internacional Bilateral Bundesministerium für Bildung und Forschung (BMBF-Ministerio Federal de Educación e Investigación) de Alemania y Ministerio de Ciencia y Tecnología de Argentina (MinCyT) Código: AL0811 Directores: Dr. Marc Strickert y Dr. Gustavo Vazquez. Environmental and biomedical sciences share major properties that push utilization of state-of-the-art analysis tools from computational intelligence and machine learning research. Common properties are large numbers of data attributes, attribute correlations caused by spatio-temporal dependencies, and the presence of uncertainty induced by noise and missing values. We plan to combine the learning metrics principle with genetic algorithms for a uniform approach to retrieve relevant subsets of data attributes, and to minimalistic models of associations between different data sets. This way, robust mappings of physico-chemical substance properties to octanol-water partitioning coefficients shall be generated, which are essential building blocks in models of compound transport, e.g. PCB, in the environment. Using the same computational framework, modelling and understanding metabolic processes shall be enhanced by mapping gene- and protein-expression levels to phenotypic properties - a first essential step towards systems biology of stress tolerance in crop plants. The joint development of the new computational methods will allow addressing these and upcoming analytical challenges.

10 horas semanales

BMBF / MinCyT

Investigación

Coordinador o Responsable

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Cooperación

Equipo: SOTO A.J. , STRICKERT M. (Responsable) , PONZONI I. , SEIFERT M. , MOCK H.P. , FERNANDEZ E. , SREENIVASULU N.

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

PICT 11-12778: Re-Ingeniería de un sistema de soporte de decisión para localización estratégica de sensores en plantas industriales (11/2005 - 11/2007)

Código del proyecto: 11-12778 Métodos para el desarrollo de un sistema de soporte de decisión (DSS) aplicable al diseño de instrumentación

10 horas semanales

Conicet , Planta Piloto de Ingeniería Química

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:

Doctorado:2

Financiación:

Institución del exterior, Apoyo financiero

Equipo: PONZONI I. , CECCHINI R. , CARBALLIDO J. , BRIGNOLE N.B. (Responsable)

Palabras clave: Modelamiento Diseño de Instrumentación

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

PIP 5930: Métodos Computacionales para Predicción de Propiedades, Simulación e Instrumentación de Procesos Industriales (09/2005 - 09/2007)

PIP 5930 - Proyecto de Investigación Plurianual (CONICET)

10 horas semanales

Conicet , Planta Piloto de Ingeniería Química

Desarrollo

Integrante del Equipo

Concluido

RRHH formados en el proyecto:
Doctorado:1
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo: PONZONI I., CARBALLIDO J., BRIGNOLE N.B. (Responsable)

Subsidio Planes de Trabajo 2004 (01/2005 - 12/2005)

Subsidio Planes de Trabajo para Investigadores recién ingresados a la Carrera de Investigador.
Otorgado por el Directorio del CONICET, bajo Resolución N° 1290 (26/11/2004). Rendición final aprobada.
30 horas semanales
Conicet
Investigación
Coordinador o Responsable
Concluido
Financiación:
Institución del exterior, Apoyo financiero
Equipo:
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

SECTOR ORGANIZACIONES PRIVADAS SIN FINES DE LUCRO/SOCIEDADES CIENTÍFICO-TECNOLÓGICAS - INSTITUT PASTEUR DE MONTEVIDEO - URUGUAY

Institut Pasteur de Montevideo / Unidad de Bioinformática

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (03/2013 - 06/2013)

Visita Posdoctoral 40 horas semanales

Profesor visitante (03/2012 - 06/2012)

Investigador posdoctoral visitante 40 horas semanales
Esta estadía de investigador posdoctoral visitante fue financiada por el programa de Becas Externas Posdoctorales (Conicet-Argentina. Res. D 43 2 del 08/02/2012)

Profesor visitante (03/2011 - 08/2011)

Investigador posdoctoral visitante 40 horas semanales
Esta estadía de investigador posdoctoral visitante fue financiada por el programa de Becas Externas IPMON-CONICET (2011)

SECTOR EXTRANJERO/INTERNACIONAL/ENSEÑANZA SUPERIOR - CUBA

Centro de Química Farmacéutica

VÍNCULOS CON LA INSTITUCIÓN

Profesor visitante (02/2007 - 06/2007)

Investigador Visitante 45 horas semanales / Dedicación total
Tipo: Estadía como Investigador Visitante. Centro de Química Farmacéutica, Ciudad de la Habana, Cuba. Director: Dr. Eladio Jorge Pardillo-Fontdevila, Jefe del Departamento de Bioinformática.

CARGA HORARIA

Carga horaria de docencia: 10 horas
Carga horaria de investigación: 20 horas
Carga horaria de formación RRHH: 5 horas
Carga horaria de extensión: Sin horas
Carga horaria de gestión: 5 horas

Producción científica/tecnológica

Una de nuestras líneas de investigación consiste en determinar cuáles son los parámetros o descriptores más relevantes de una entidad (química o biológica) para una propiedad de interés. Hemos abordado este problema mediante el uso novedoso de algoritmos genéticos multiobjetivo, donde uno de los objetivos corresponde al error de predicción del método y el otro es el número de descriptores seleccionados. Claramente estos dos objetivos son contrapuestos u ortogonales. Sin embargo la optimización simultánea de ambos permite la obtención de modelos con gran capacidad predictiva y baja cardinalidad de descriptores, lo cual define modelos más robustos y confiables. Otra propuesta desarrollada consistió en realizar la selección de esos descriptores como parte del mismo proceso de construcción del modelo de predicción (o clasificación) y se denominó Correlative Matrix Mapping (CMM). El objetivo es encontrar un subespacio de las variables del problema, de manera que las distancias de a pares en este espacio estén en máxima correlación con las distancias en el espacio de la propiedad de interés.

Otra de las líneas de investigación en las que se trabaja es la identificación del dominio de aplicación de modelos desarrollados en química computacional y bioinformática. Una de las propuestas consistió en categorizar la calidad de cada predicción mediante la identificación de problemas de interpolación, extrapolación, etc. La ventaja radica en que no se requiere del conocimiento de la probabilidad de distribución de los datos. Una segunda propuesta ha sido determinar el porcentaje de exactitud de la predicción para cada elemento del espacio muestral, lo cual puede modelarse utilizando un clasificador Gaussiano-Bayesiano (BC). Aunque la hipótesis de que los datos siguen una distribución normal no es sencilla de cumplir en espacios de grandes dimensiones mostramos la utilización de la metodología CMM previamente reportada para proyectar los datos a un espacio de menor dimensión donde esta condición se verifica.

Otra área de trabajo complementaria a las líneas de investigación descriptas anteriormente es el uso de la inteligencia computacional para el modelamiento de parámetros físico-químicos en aplicaciones de química informática. En esta área hemos trabajado en la predicción de las denominadas propiedades ADME-Tox de compuestos químicos que son candidatos a convertirse en drogas. Nuestros principales aportes han sido el modelamiento de las propiedades partición octanol-agua, penetración de la barrera hemato-encefálica y absorción intestinal humana (HIA). También en el área de química informática aplicada al desarrollo de polímeros hemos propuesto una novedosa estrategia para la predicción de la temperatura de transición vítrea (Tg). El enfoque consistió en definir estructuralmente los fragmentos correspondientes a la cadena principal y a la cadena lateral, en base a la unidad repetitiva media de una estructura trimérica. Uno de los principales aspectos en el desarrollo de modelos es lograr la trasparencia de los mismos, con el objeto de lograr una mayor explicabilidad de las predicciones (lo cual es fundamental en el ámbito molecular o biológico). Para esto hemos propuesto metodologías basadas en visual analytics que permiten examinar, evaluar y mejorar modelos propuestos por mecanismos automatizados.

En cuanto al modelamiento en el área de bioinformática se ha trabajado en el uso de técnicas de aprendizaje automático para determinar patogenicidad de bacterias en humanos. Se propuso la identificación de genes relevantes utilizando un método de selección de atributos para luego establecer las relaciones subyacentes entre genes (grupos de ortólogos) y patogenicidad de los organismos. También se ha trabajado en mecanismos que evalúan la consistencia de predicción de modelos de inferencia patogénica y la revisión de modelos de imputación genómica en el caso de datos faltantes.

A partir de 2023 se plantea una nueva línea de trabajos basada en cómputo hiperdimensional (HyperDimensional Computing ó HDC). Esto es un acercamiento alternativo a la inteligencia artificial basado en el uso de operaciones algebraicas muy simples aplicadas a vectores de muy altas dimensiones. Por la simplicidad de su estructura, este acercamiento lleva a algoritmos de clasificación que, a diferencia de los métodos de aprendizaje profundo (deep learning), permiten una interpretación clara de sus resultados. Esta es una línea de investigación fundamental y de reciente aparición. Se plantea el desarrollo de nuevas formas de representación hiperdimensional para diferentes problemas, especialmente en casos de nuestro interés principal como grafos (para la representación de moléculas) y estructuras lineales (como por ejemplo secuencias de genomas).

Producción bibliográfica

ARTÍCULOS PUBLICADOS

ARBITRADOS

Evaluation of different approaches for missing data imputation on features associated to genomic data

(Completo, 2021)

Ben Omega Petrazzini, NAYA H. , LOPEZ-BELLO J., VAZQUEZ G.E., SPANGENBERG L.

BioData Mining, v.: 14 44 , p.:1 - 13, 2021

Palabras clave: Machine learning imputation missing data genomics pathogenic variants

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 17560381

DOI: [10.1186/s13040-021-00274-7](https://doi.org/10.1186/s13040-021-00274-7)

<https://rdcu.be/cw9eo>

Scopus*

A Preliminary Comparison of P-Tool Consistency (Completo, 2019)

MURILLO J. , SPETALE F. , TAPIA E. , KRSTICEVIC F. , CAILLOUXO. , GUILLAUME S. , VAZQUEZ G.E. , FERNANDEZ T. , DESTERCKE S. , PONCE S. , BULACIO P.

IFMBE proceedings, v.: 75 p.:731 - 735, 2019

Palabras clave: SNP Gene functionality Missense nonsense mutation

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Switzerland

ISSN: 16800737

E-ISSN: 17271983

DOI: [10.1007/978-3-030-30648-9_97](https://doi.org/10.1007/978-3-030-30648-9_97)

https://link.springer.com/chapter/10.1007%2F978-3-030-30648-9_97

Feature Selection for Polymer Informatics: Evaluating Scalability and Robustness of the FS4RV-DD Algorithm using Synthetic Polydisperse Datasets (Completo, 2019)

CRAVERO F. , SCHUSTIK S. , MARTINEZ M.J. , VAZQUEZ G.E. , DIAZ M.F. , PONZONI I.

Journal of Chemical Information and Modeling, v.: 60 2 , p.:592 - 603, 2019

Palabras clave: Feature Selection Polymer Informatics Synthetic Database Polydisperse Data

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación e Información /

Medio de divulgación: Otros

ISSN: 15499596

E-ISSN: 1549960X

DOI: <https://doi.org/10.1021/acs.jcim.9b00867>

<https://pubs.acs.org/doi/abs/10.1021/acs.jcim.9b00867>

WEB OF SCIENCE™ Scopus*

QSAR Classification Models for Predicting the Activity of Inhibitors of Beta-Secretase (BACE1) Associated with Alzheimer's Disease (Completo, 2019)

PONZONI I. , SEBASTIAN-PEREZ V. , MARTINEZ M.J. , ROCA C. , DE LA CRUZ PEREZ C. , CRAVERO F. , VAZQUEZ G.E. , PAEZ J.A. , DIAZ M.F. , CAMPILLO N.E.

Scientific Reports, v.: 9 9102 , p.:1 - 13, 2019

Palabras clave: Alzheimer's disease BACE1 QSAR Backward Elimination Machine Learning

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 20452322

DOI: doi.org/10.1038/s41598-019-45522-3

<https://www.nature.com/articles/s41598-019-45522-3>

WEB OF SCIENCE™ Scopus*

Feature Learning applied to the Estimation of Tensile Strength at Break in Polymeric Material Design (Completo, 2016)

CRAVERO, F. , MARTINEZ M.J. , VAZQUEZ G.E. , DIAZ M.F. , PONZONI I.

Journal of Integrative Bioinformatics, v.: 13 2 , p.:1 - 15, 2016

Palabras clave: Cheminformatics Machine Learning Visual Analytics QSPR Polymeric Materials

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Computación / Aprendizaje automático
Medio de divulgación: Internet
Lugar de publicación: Alemania
E-ISSN: 16134516
DOI: [10.2390/biecoll-jib-2016-286](https://doi.org/10.2390/biecoll-jib-2016-286)
<http://journal.imbio.de/article.php?aid=286>
Scopus*

Visual Analytics in Cheminformatics: User-Supervised Descriptor Selection for QSAR Methods (Completo, 2015)

MARTINEZ M.J., PONZONI I., DIAZ M.F., VAZQUEZ G.E., SOTO A.J.
Journal of Cheminformatics, v.: 7 39, p.:1 - 17, 2015
Palabras clave: QSAR Cheminformatics Feature Selection Visual Analytics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /
Medio de divulgación: Internet
E-ISSN: 17582946
DOI: [10.1186/s13321-015-0092-4](https://doi.org/10.1186/s13321-015-0092-4)
<http://www.jcheminf.com/content/7/1/39>
WEB OF SCIENCE™ Scopus*

Parallel Optimization by Means of a Spectral-Projected-Gradient Approach (Completo, 2015)

ARDENGHI J.I., VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.
Computers & Chemical Engineering, en prensa, 2015
Palabras clave: Parallel Processing
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /
Medio de divulgación: Papel
ISSN: 00981354
DOI: [10.1016/j.compchemeng.2015.04.010](https://doi.org/10.1016/j.compchemeng.2015.04.010)
<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0098135415001118>
WEB OF SCIENCE™ Scopus*

Prediction of Elongation at Break for Linear Polymers (Completo, 2014)

PALOMBA D, VAZQUEZ G.E., DIAZ M.L.
Chemometrics and Intelligent Laboratory Systems, v.: 139 p.:121 - 131, 2014
Palabras clave: QSAR Molecular Modelling Mechanical Properties Polymers Elongation at Break
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ingeniería y Tecnología / Ingeniería de los Materiales / Ingeniería de los Materiales /
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Amsterdam
ISSN: 01697439
DOI: [10.1016/j.chemolab.2014.09.009](https://doi.org/10.1016/j.chemolab.2014.09.009)
<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0169743914001981>
WEB OF SCIENCE™ Scopus*

Novel Descriptors from Main and Side Chains of high-molecular-weight Polymers applied to Prediction of Glass Transition Temperatures (Completo, 2012) Trabajo relevante

PALOMBA D, VAZQUEZ G.E., DIAZ M.L.
Journal of Molecular Graphics and Modelling, v.: 38 p.:137 - 147, 2012
Palabras clave: Molecular Modeling Structureproperty Relations Glass transition temperature
Molecular Informatics Machine Learning
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Amsterdam
ISSN: 10933263

DOI: [10.1016/j.jmgm.2012.04.006](https://doi.org/10.1016/j.jmgm.2012.04.006)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1093326312000435>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Reduced set of virulence genes allows high accuracy prediction of bacterial pathogenicity in humans

(Completo, 2012) Trabajo relevante

IRAOA G., VAZQUEZ G.E., SPANGENBERG L., NAYA H.

PLoS ONE, v.: 7 8 , 2012

Palabras clave: Computational Biology Pathogenecity Prediction Machine Learning Bioinformatics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: United States

E-ISSN: 19326203

DOI: [10.1371/journal.pone.0042144](https://doi.org/10.1371/journal.pone.0042144)

plosone.org/article/info:doi/10.1371/journal.pone.0042144

WEB OF SCIENCE™ Scopus® 

QSPR Models for Predicting Log Pliver Values for Volatile Organic Compounds Combining Statistical Methods and Domain Knowledge (Completo, 2012)

PALOMBAD , MARTINEZ M.J., PONZONI I., DIAZ M.L., VAZQUEZ G.E., SOTO A.J.

Molecules, v.: 17 12 , 2012

Palabras clave: Chemoinformatics Molecular Informatics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Basilea, Suiza

E-ISSN: 14203049

DOI: [10.3390/molecules171214937](https://doi.org/10.3390/molecules171214937)

<http://www.mdpi.com/1420-3049/17/12/14937>

WEB OF SCIENCE™ Scopus®

Subspace Mapping of Noisy Text Documents (Completo, 2011)

SOTO A.J., VAZQUEZ G.E., STRICKERT M., MILOS E.

Lecture Notes in Computer Science, v.: 6657 p.:377 - 383, 2011

Palabras clave: Text Mining Subspace Mapping Machine Learning

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Berlin

ISSN: 03029743

E-ISSN: 16113349

DOI: [10.1007/978-3-642-21043-3_45](https://doi.org/10.1007/978-3-642-21043-3_45)

http://rd.springer.com/chapter/10.1007/978-3-642-21043-3_45

Scopus®

Target-driven subspace mapping methods and their applicability domain estimation (Completo, 2011)

Trabajo relevante

SOTO A.J., VAZQUEZ G.E., STRICKERT M., PONZONI I.

Molecular Informatics, v.: 30 9 , p.:779 - 789, 2011

Palabras clave: Chemoinformatics QSAR Applicability Domain Property Prediction Machine Learning

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Reino Unido

E-ISSN: 18681751

DOI: [10.1002/minf.201100053](https://doi.org/10.1002/minf.201100053)

<http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1002/minf.201100053/abstract>

(La revista "Molecular Informatics" se encuentra indexada en ISI-Thompson. Impact Factor año 2011: 2.39)

Scopus®

Adaptive matrix metrics for molecular descriptor assessment in QSPR classification (Resumen, 2010)

SOTO A.J. , STRICKERT M. , VAZQUEZ G.E.

Journal of Cheminformatics, v.: 2 s1 , 2010

Palabras clave: QSAR Adaptive matrix metrics Cheminformatics

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular

Medio de divulgación: Internet

E-ISSN: 17582946

DOI: [10.1186/1758-2946-2-S1-P47](https://doi.org/10.1186/1758-2946-2-S1-P47)

<http://www.jcheminf.com/content/2/S1/P47>

Journal of Cheminformatics se encuentra indexada en ISI-Thompson a partir del año 2011. Factor de impacto: 3.419

WEB OF SCIENCE® Scopus®

Segregating Confident Predictions of Chemical s Properties for Virtual Screening of Drugs

(Completo, 2009) Trabajo relevante

SOTO A.J. , PONZONI I. , VAZQUEZ G.E.

Lecture Notes in Computer Science, v.: 5518 p.:1005 - 1012, 2009

Palabras clave: QSAR Property Prediction Cheminformatics Molecular Informatics Machine Learning

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Berlin

ISSN: 03029743

E-ISSN: 16113349

DOI: [10.1007/978-3-642-02481-8_153](https://doi.org/10.1007/978-3-642-02481-8_153)

<http://www.springerlink.com/content/n70138554p5711v4/>

Scopus®

Multi-Objective Feature Selection in QSAR Using a Machine Learning Approach (Completo, 2009)

SOTO A.J. , CECCHINI R. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I.

QSAR & Combinatorial Science, v.: 28 11 , p.:1509 - 1523, 2009

Palabras clave: QSAR Cheminformatics Properties Prediction Genetic Algorithms Machine Learning Feature Selection

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Weinheim

ISSN: 1611020X

E-ISSN: 16110218

DOI: [10.1002/qsar.200960053](https://doi.org/10.1002/qsar.200960053)

<http://onlinelibrary.wiley.com/doi/10.1002/qsar.200960053/abstract>

La revista Molecular Informatics reemplazó a QSAR & Combinatorial Science en 2010. Este artículo pertenece a la revista QSAR & Combinatorial Science, indexada en ISI-Thompson con factor de impacto 3.027 (2009). Por más información sobre este cambio: <http://www.wiley-vch.de/publish/en/journals/alphabeticIndex/2022/>

WEB OF SCIENCE® Scopus®

An Evolutionary Approach for Feature Selection applied to ADMET Prediction (Completo, 2008)

SOTO A.J. , CECCHINI R. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I.

INTELIGENCIA ARTIFICIAL, v.: 37 p.:55 - 63, 2008

Palabras clave: QSAR Cheminformatics Properties Prediction Genetic Algorithms Feature Selection
Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Valencia

ISSN: 11373601

E-ISSN: 19883064

<http://redalyc.uaemex.mx/pdf/925/92503707.pdf>

 

Diagramas de Ciclos de Actividades y su uso en la Simulacion de Sistemas de Eventos Discretos (Completo, 2007)

SOTO A.J. , PONZONI I. , VAZQUEZ G.E.

Revista de la Escuela de Perfeccionamiento en Investigacion Operativa, v.: 29 p.:145 - 154, 2007

Palabras clave: Simulación de Eventos Discretos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Argentina

ISSN: 03297322



Using Computational Intelligence and Parallelism to solve an Industrial Design Problem (Completo, 2006)

ASTEASUAIN F. , CARBALLIDO J. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I.

Lecture Notes in Computer Science, v.: 4140 p.:188 - 197, 2006

Palabras clave: Genetic Algorithms Parallel Processing Observability Analisys

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Berlin

ISSN: 03029743

E-ISSN: 16113349

DOI: [10.1007/11874850_23](https://doi.org/10.1007/11874850_23)

http://rd.springer.com/chapter/10.1007/11874850_23

 

The Software Architecture of a Decision Support System for Process Plant Instrumentation (Completo, 2003)

VAZQUEZ G.E. , FERRARO S. , CARBALLIDO J. , PONZONI I. , SANCHEZ M. , BRIGNOLE N.B.

WSEAS TRANSACTIONS ON COMPUTERS, v.: 4 2 , p.:1074 - 1078, 2003

Palabras clave: Observability Analisys Modeling

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Internet

Lugar de publicación: Grecia

ISSN: 11092750

E-ISSN: 22242872

Optimization Of Industrial Problems Using Parallel Processing Under Distributed Environments (Completo, 2002)

VAZQUEZ G.E. , DIAZ S. , BRIGNOLE N.B. , BANDONI J.A.

Chemical Engineering Communications, v.: 189 5 , p.:642 - 656, 2002
Palabras clave: Parallel Processing Chemical Engineering Optimization
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /
Medio de divulgación: Papel
Lugar de publicación: Londres
ISSN: 00986445
E-ISSN: 15635201
DOI: [10.1080/00986440211739](https://doi.org/10.1080/00986440211739)
<http://www.tandfonline.com/doi/abs/10.1080/00986440211739#preview>
WEB OF SCIENCE™ Scopus™

Thesis Overview: Heterogeneous Parallel-Distributed Processing applied to Process Engineering (Resumen, 2002)

VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.

Journal of Computer Science and Technology (Estados Unidos), v.: 2 7 , p.:49 - 50, 2002

Palabras clave: Parallel Processing

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: La Plata

ISSN: 10009000

E-ISSN: 18604749

Este trabajo pertenece a la revista Journal of Computer Science and Technology ISSN 16666046.
<http://www.latindex.org/buscador/ficRev.html?opcion=1&folio=12515> Esta publicación consiste en un breve resumen de la tesis doctoral.

WEB OF SCIENCE™ Scopus™

Parallel NLP Strategies using PVM on Heterogeneous Distributed Environments (Completo, 1999)

VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.

Lecture Notes in Computer Science, v.: 1697 p.:533 - 540, 1999

Palabras clave: Parallel Processing Optimization

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Berlin

ISSN: 03029743

E-ISSN: 16113349

DOI: [10.1007/3-540-48158-3_66](https://doi.org/10.1007/3-540-48158-3_66)

<http://www.springerlink.com/content/2udc9ywdpmn1u79/>

WEB OF SCIENCE™

NO ARBITRADOS

A Wrapper-Based Feature Selection Method for ADMET Prediction Using Evolutionary Computing (Completo, 2008)

SOTO A.J., CECCHINI R., VAZQUEZ G.E., PONZONI I.

Lecture Notes in Computer Science, v.: 4973 p.:188 - 199, 2008

Palabras clave: QSAR Cheminformatics Properties Prediction Genetic Algorithms

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Informática Molecular

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Berlin

ISSN: 03029743

E-ISSN: 16113349

DOI: [10.1007/978-3-540-78757-0_17](https://doi.org/10.1007/978-3-540-78757-0_17)

<http://www.springerlink.com/content/84vu332476834143/>

ModGen: A Model Generator for Instrumentation Analysis (Completo, 2001)

VAZQUEZ G.E., PONZONI I., SANCHEZ M., BRIGNOLE N.B.

Advances in Engineering Software, v.: 32 1 , p.:37 - 48, 2001

Palabras clave: Observability Analisys Chemical Process Engineering

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: Edimburgo

ISSN: 09659978

DOI: [10.1016/S0965-9978\(00\)00073-9](https://doi.org/10.1016/S0965-9978(00)00073-9)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0965997800000739>

Parallel Observability Analysis on Networks of Workstations (Completo, 2001)

PONZONI I., VAZQUEZ G.E., SANCHEZ M., BRIGNOLE N.B.

Computers & Chemical Engineering, v.: 25 7-8 , p.:997 - 1002, 2001

Palabras clave: Parallel Processing Observability Analisys Chemical Process Engineering

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Lugar de publicación: West Lafayette

ISSN: 00981354

DOI: [10.1016/S0098-1354\(01\)00625-1](https://doi.org/10.1016/S0098-1354(01)00625-1)

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S0098135401006251>

LIBROS**Advances in Intelligent Systems and Computing (Participación, 2016)**

CRAVERO, F., MARTINEZ, M. J. , VAZQUEZ G.E., DIAZ, M. F. , PONZONI, I. Publicado

Número de volúmenes: 477

Tipo de publicación: Investigación

DOI: [10.1007/978-3-319-40126-3_1](https://doi.org/10.1007/978-3-319-40126-3_1)

Referado

Palabras clave: QSAR

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Cheminformatics

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN: 21945357

Financiación/Cooperación:

Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Remuneración, Uruguay

Capítulos:

Intelligent Systems for Predictive Modelling in Cheminformatics: QSPR Models for Material Design Using Machine Learning and Visual Analytics Tools

Página inicial 3, Página final 11

Computer Aided Chemical Engineering (Participación, 2014)

ARDENGHI J.I. , VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B. Publicado

Número de volúmenes: 34

Editorial: Elsevier

DOI: [10.1016/B978-0-444-63433-7.50097-3](https://doi.org/10.1016/B978-0-444-63433-7.50097-3)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

ISSN/ISBN: 9780444634337

<http://www.sciencedirect.com/science/article/pii/B9780444634337500973>

Capítulos:

A Parallel Spectral-Projected-Gradient Method for Optimization in Process Engineering
Página inicial 675, Página final 680

PUBLICACIÓN DE TRABAJOS PRESENTADOS EN EVENTOS

Clustering of News Texts Using Hyperdimensional Computing (2024)

QUIROZ IBARRA J.E. , GONZALEZ ORDIANO J.A. , J. J. FLORES-GODOY, VAZQUEZ G.E.

Publicado

Resumen expandido

Evento: Regional

Descripción: URUCON

Ciudad: Montevideo

Año del evento: 2024

Anales/Proceedings:2024 IEEE URUCON

Publicación arbitrada

Editorial: IEEE

Palabras clave: clustering indicator unstructured data hiperdimensional computing

Medio de divulgación: Internet

DOI: [10.1109/URUCON63440.2024.10850161](https://doi.org/10.1109/URUCON63440.2024.10850161)

<https://xplore.staging.ieee.org/document/10850161>

This work was supported by ANII through project FCE-1-2023-1-176242

In silico study of tools that predict SNPs impact in protein functionality (2018)

MURILLO J., SPETALE F., BULACIO P. , TAPIA E., GUILLAMUME S., CAILLOUX O., KRSTICEVIC F. , VAZQUEZ G.E., FERNANDEZ CALERO T., DESTRECKE S.

Publicado

Resumen

Evento: Regional

Descripción: ISCB-LA SOIBIO EMBnet 2018

Ciudad: Concepción

Año del evento: 2018

Anales/Proceedings:Proceedings ISCB-LA SOIBIO EMBnet 2018

Palabras clave: SNP protein functionality

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Internet

Predicción del módulo elástico para polímeros lineales aplicando analítica visual y aprendizaje automático (2015)

MARTINEZ M.J., CRAVERO, F. , VAZQUEZ G.E., DIAZ M.F., PONZONI I.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Simposio Argentino de Polímeros (SAP 2015)

Ciudad: Santa Fe

Año del evento: 2015

Palabras clave: QSAR Machine Learning

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Cheminformatics

Medio de divulgación: Internet

Desarrollo de modelos QSPR asistido por técnicas de analítica visual para la predicción de propiedades mecánicas de polímeros lineales (2015)

MARTINEZ M.J., CRAVERO, F. , VAZQUEZ G.E., DIAZ M.F., PONZONI I.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Simposio Argentino de Polímeros (SAP 2015)

Ciudad: Santa Fe

Año del evento: 2015

Palabras clave: QSAR Machine Learning

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Cheminformatics

Medio de divulgación: Internet

Modelado QSPR de Propiedades Mecánicas de Materiales Poliméricos empleando Técnicas de Reducción de Variables basadas en Algoritmos de Aprendizaje Automático (2015)

CRAVERO, F., DIAZ M.F., PONZONI I., VAZQUEZ G.E.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: CAIQ2015 Congreso Argentino de Ingeniería Química

Ciudad: Buenos Aires

Año del evento: 2015

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Cheminformatics

Medio de divulgación: Internet

Prediction of tensile strength at break for linear polymers applied to new materials development (2014)

PALOMBA D , CRAVERO F., VAZQUEZ G.E., DÍAZ M.F.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: Congreso Internacional de Metalurgia y Materiales SAM-CONAMET / IBEROMAT 2014

Ciudad: Santa Fe - Argentina

Año del evento: 2014

Publicación arbitrada

Palabras clave: QSAR Tensile Strength Mechanical Properties Polymers

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

<http://www.unl.edu.ar/materiales2014/>

Prediction of tensile modulus for linear polymers applied to new materials development (2014)

PALOMBA D , CRAVERO F., VAZQUEZ G.E., DÍAZ M.F.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: Congreso Internacional de Metalurgia y Materiales SAM-CONAMET / IBEROMAT 2014

Ciudad: Santa Fe - Argentina

Año del evento: 2014

Publicación arbitrada

Palabras clave: QSAR Mechanical Properties Polymers Tensile Modulus

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

<http://www.unl.edu.ar/materiales2014/>

Predicción de propiedades mecánicas del ensayo de tensión para polímeros lineales. Modelado QSPR con inteligencia computacional y análisis visual interactivo (2014)

PALOMBA D , MARTINEZ M.J., CRAVERO, F., SOTO A.J. , VAZQUEZ G.E., PONZONI I., DIAZ M.L.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: 30º Congreso Argentino de Química

Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2014
Publicación arbitrada
Areas de conocimiento:
Ingeniería y Tecnología / Ingeniería de los Materiales / Ingeniería de los Materiales / Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Papel

Interactive Visual Analysis Methodology for Improving Descriptor Selection in QSPR: First Steps (2014)

MARTINEZ M.J., CRAVERO F., VAZQUEZ G.E., DÍAZ M.F., SOTO A., PONZONI I.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Nacional
Descripción: V Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional - 2014
Ciudad: Bariloche, Argentina
Año del evento: 2014
Publicación arbitrada
Palabras clave: Bioinformatica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet

Progress on Prediction of Mechanical Properties of Linear Polymers (2013)

PALOMBA D, VAZQUEZ G.E., DIAZ M.L.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: X Simposio Argentino de Polímeros (SAP 2013)
Ciudad: Buenos Aires
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings:Proceedings SAP 2013
Palabras clave: Inteligencia Computacional Predicción de propiedades Ciencias de los Materiales
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Importance of developing new descriptors in QSAR/QSPR (2013)

PALOMBA D, VAZQUEZ G.E., DÍAZ M.F.
Publicado
Resumen expandido
Evento: Internacional
Descripción: 4ta. Conferencia Internacional de la Sociedad Iberoamericana de Bioinformática (SolBio)
Ciudad: Rosario
Año del evento: 2013
Anales/Proceedings:Proceedings Conferencia Internacional de la Sociedad Iberoamericana de Bioinformática (SolBio)
Palabras clave: QSAR Modelado Matemático
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Confidence Assessment of Candidate Drug Property Predictions by Subspace Mapping Methods (2012)

SOTO A.J., VAZQUEZ G.E., STRICKERT M., PONZONI I.
Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: ISCB Latin America 2012 Conference on Bioinformatics
Ciudad: Santiago de Chile

Año del evento: 2012
Anales/Proceedings:ISCB Latin America 2012 Conference
Publicación arbitrada
Editorial: ISCB
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Otros

Shedding light into bacterial pathogenicity prediction: a machine learning approach (2012)

IRAO LA G. , VAZQUEZ G.E. , SPANGENBERG L. , NAYA H.
Publicado
Resumen
Evento: Internacional
Descripción: ISCB Latin America 2012 Conference on Bioinformatics
Ciudad: Santiago de Chile
Año del evento: 2012
Anales/Proceedings:ISCB Latin America 2012 Conference
Publicación arbitrada
Editorial: ISCB
Palabras clave: Biología Computacional Patogenicidad
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Otros

About using new descriptors in cheminformatics: Application for predicting the glass transition temperature of high molecular weight polymers (2011)

PALOMBA D , VAZQUEZ G.E. , DIAZ M.L.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: 2do Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional 2011
Ciudad: Córdoba, Argentina
Año del evento: 2011
Anales/Proceedings:Proceedings 2do Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional 2011
Publicación arbitrada
Editorial: A2B2C (Asociació Argentina de Bioinformática y Biología Computacional)
Ciudad: Córdoba, Argentina
Palabras clave: Cheminformatics Properties Prediction Aprendizaje automático
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Otros

Predicción de Temperatura de Transición Vítreo de Polímeros de Alto Peso Molecular. Nuevo Enfoque en la Generación de Descriptores (2011)

PALOMBA D , VAZQUEZ G.E. , DIAZ M.L.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: IX Simposio Argentino de Polímeros (SAP2011)
Ciudad: Bahía Blanca, Argentina
Año del evento: 2011
Anales/Proceedings:Proceedings IX Simposio Argentino de Polímeros (SAP2011)
Publicación arbitrada
Editorial: SAP2011
Palabras clave: Property Prediction Cheminformatics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Adaptive matrix distances aiming at optimum regression subspaces (2010)

STRICKERT M., SOTO A.J., VAZQUEZ G.E.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: European Symposium on Artificial Neural Networks, Computational Intelligence and Machine Learning

Ciudad: Bruges, Bélgica

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Proceedings ESSAN 2010

Publicación arbitrada

Ciudad: Bélgica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

A mapping method for linking chemical compounds to biological and physicochemical properties in drug discovery (2010)

SOTO A.J., STRICKERT M., VAZQUEZ G.E.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: ISCB - International Society for Computational Biology - Latin America Conference 2010

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Proceedings ISCB-LA 2010

Publicación arbitrada

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros

A new method for multi-objective selection of molecular descriptors for QSAR/QSPR (2010)

SOTO A.J., CECCHINI R., VAZQUEZ G.E., PONZONI I.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: ISCB - International Society for Computational Biology - Latin America Conference 2010

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Proceedings ISCB-LA 2010

Publicación arbitrada

Ciudad: Montevideo, Uruguay

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros

Identifying the Applicability Domain of QSPR Models using Machine Learning (2010)

SOTO A.J., PONZONI I., VAZQUEZ G.E.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: The 1st International Conference on Bioinformatics SolBio 2010

Ciudad: Chillán, Chile

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Proceedings SOIBIO 2010

Publicación arbitrada

Ciudad: Chillán, Chile

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Otros

Adaptive Visualization of Text Documents Incorporating Domain Knowledge (2010)

SOTO A.J., STRICKERT M., VAZQUEZ G.E., MILOS E.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: Neural Information Processing Systems (NIPS)

Ciudad: Whistler, Canadá

Año del evento: 2010

Anales/Proceedings:Proceedings NIPS 2010

Publicación arbitrada

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

Towards matrix-based selection of feature pairs for efficient ADMET prediction (2009)

STRICKERT M., SOTO A.J., KEILWAGEN J., VAZQUEZ G.E.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: Argentine Symposium on Artificial Intelligence (ASAI 2009)

Ciudad: Mar del Plata, Argentina

Año del evento: 2009

Anales/Proceedings:Proceedings ASAI 2009

Publicación arbitrada

Editorial: Sociedad Argentina de Investigación Operativa (SADIO)

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: CD-Rom

Adaptive matrix metrics for molecular descriptor assessment in QSPR classification (2009)

SOTO A.J., STRICKERT M., VAZQUEZ G.E.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: 5th German Conference on Chemoinformatics

Ciudad: Goslar, Alemania

Año del evento: 2009

Anales/Proceedings:Proceedings 5th German Conference on Chemoinformatics 2009

Publicación arbitrada

Ciudad: Gsolar, Alemania

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Otros

An Evolutionary Approach for Multi-Objective Feature Selection in ADMET Prediction (2008)

SOTO A.J., CECCHINI R., PALOMBA D., VAZQUEZ G.E., PONZONI I.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: CLEI 2008 (XXXIV Conferencia Latinoamerica de Informática)

Ciudad: Santa Fe, Argentina

Año del evento: 2008

Anales/Proceedings:Proceedings CLEI 2008

Publicación arbitrada

Editorial: Centro Latinoamericano de Estudios en Informática (CLEI) - SADIO

Ciudad: Santa Fe, Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Aplicaciones de Aprendizaje Automático sobre Clusters de Compuestos Químicos (2008)

SOTO A.J. , PALOMBA D , DIAZ M.L. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: ENIEF 2008 - XVII Congreso sobre Métodos Numéricos y sus Aplicaciones
Ciudad: San Luis, Argentina
Año del evento: 2008
Anales/Proceedings:Proceedings ENIEF 2008
Publicación arbitrada
Editorial: AMCA - Asociación Argentina de Mecánica Computacional
Ciudad: San Luis, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Feature Selection for ADMET Prediction using Genetic Algorithms (2007)

SOTO A.J. , CECCHINI R. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Argentine Symposium on Artificial Intelligence (ASAI 2007)
Ciudad: Mar del Plata, Argentina
Año del evento: 2007
Anales/Proceedings:Proceedings ASAI 2007
Publicación arbitrada
Editorial: Sociedad Argentina de Investigación Operativa (SADIO)
Ciudad: Mar del Plata, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

A Genetic Algorithm for Detection of Relevant Descriptors in ADMET Prediction (2007)

CECCHINI R. , SOTO A.J. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Brazilian Symposium on Bioinformatics
Ciudad: Angra dos Reis - Brasil
Año del evento: 2007
Anales/Proceedings:Proceedings BSB 2007
Publicación arbitrada
Editorial: Brazilian Computing Society
Ciudad: Angra dos Reis - Brasil
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Predicting Physicochemical Properties for Drug Design Using Clustering and Neural Network Learning (2007)

SOTO A.J. , PONZONI I. , VAZQUEZ G.E.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: Brazilian Symposium on Bioinformatics
Ciudad: Angra dos Reis - Brasil
Año del evento: 2007

Anales/Proceedings:Proceedings BSB 2007
Publicación arbitrada
Editorial: Brazilian Computing Society
Ciudad: Angra dos Reis - Brasil
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Análisis Numérico de diferentes Criterios de Similitud en Algoritmos de Clustering (2006)

VAZQUEZ G.E., SOTO A.J., PONZONI I.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: 15º Congreso sobre Métodos Numéricos y sus Aplicaciones, ENIEF 2006
Ciudad: Santa Fe, Argentina
Año del evento: 2006
Anales/Proceedings: Mecánica Computacional
Pagina inicial: 993
Pagina final: 1012
ISSN/ISBN: 16666070
Publicación arbitrada
Editorial: AMCA
Ciudad: Santa Fe, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Papel

Programación Genética y Métodos Numéricos en Regresión Simbólica (2006)

CECCHINI R., VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: ASAI 2006 - 8º Simposio Argentino de Inteligencia Artificial
Ciudad: Mendoza, Argentina
Año del evento: 2006
Anales/Proceedings:Proceedings ASAI 2006
Publicación arbitrada
Editorial: Sociedad Argentina de Investigación Operativa (SADIO)
Ciudad: Mendoza, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Resolución Paralelo Distribuída de Sistemas de Ecuaciones Basadas en Técnicas de Descomposición de Grafos (2005)

SOTO A.J., PONZONI I., VAZQUEZ G.E.
Publicado
Completo
Evento: Nacional
Descripción: MECOM 2005 - VIII Congreso Argentino de Mecánica Computacional
Ciudad: Buenos Aires, Argentina
Año del evento: 2005
Anales/Proceedings:Mecánica Computacional
Pagina inicial: 1743
Pagina final: 1760
ISSN/ISBN: 16666070
Publicación arbitrada
Editorial: AMCA - Asociación Argentina de Mecánica Computacional
Ciudad: Buenos Aires, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

A CAPE-OPEN Compliant Simulation Module for an Ammonia Reactor Unit (2005)

PEREZ V. , DOMANCICHA A. , VAZQUEZ G.E. , BRIGNOLE N.B.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: 4th Mercosur Congress on Process Systems Engineering

Ciudad: Río de Janeiro, Brasil

Año del evento: 2005

Anales/Proceedings:Proceedings 4th Mercosur Congress on Process Systems Engineering

Publicación arbitrada

Editorial: UFRJ-UFRRJ, Brazil - PLAPIQUI, Argentina

Ciudad: Río de Janeiro, Brasil

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: CD-Rom

A Database of Pharmacological Properties For Accurate Adme-tox Predictions (2005)

SANCHEZ J. , VAZQUEZ G.E. , BESSONE S. , PARDILLO-FONTDEVILA E. , BRIGNOLE N.B.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: 4th Mercosur Congress on Process Systems Engineering

Ciudad: Río de Janeiro, Brasil

Año del evento: 2005

Anales/Proceedings:Proceedings 4th Mercosur Congress on Process Systems Engineering

Publicación arbitrada

Editorial: UFRJ-UFRRJ, Brazil - PLAPIQUI, Argentina

Ciudad: Río de Janeiro, Brasil

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: CD-Rom

pdAGMO para Configuración Inicial de Sensores en Procesos Industriales (2004)

ASTEASUAIN F. , CARBALLIDO J. , VAZQUEZ G.E. , PONZONI I. , BRIGNOLE N.B.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: ENIEF 2004 - 14º Congreso sobre Métodos Numéricos y sus Aplicaciones

Ciudad: Bariloche, Argentina

Año del evento: 2004

Anales/Proceedings:Mecánica Computacional

Página inicial: 3105

Página final: 3118

ISSN/ISBN: 16666070

Publicación arbitrada

Editorial: AMCA - Asociación Argentina de Mecánica Computacional

Ciudad: Bariloche, Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /

Medio de divulgación: Papel

Desempeño de un algoritmo espectral para optimización rigurosa de plantas de procesos industriales (2004)

VAZQUEZ G.E. , DOMANCICHA A. , ARDENGHI J.I. , BRIGNOLE N.B.

Publicado

Completo

Evento: Nacional

Descripción: ENIEF 2004 - 14º Congreso sobre Métodos Numéricos y sus Aplicaciones

Ciudad: Bariloche, Argentina
Año del evento: 2004
Anales/Proceedings:Mecánica Computacional
Pagina inicial: 3047
Pagina final: 3057
ISSN/ISBN: 16666070
Publicación arbitrada
Editorial: AMCA - Asociación Argentina de Mecánica Computacional
Ciudad: Bariloche, Argentina
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Papel

A Sensitivity-Analysis Approach for Domain Partitioning in Multisplitting Algorithms (2002)

VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.
Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: Fifth World Congress on Computational Mechanics
Ciudad: Viena, Austria
Año del evento: 2002
Anales/Proceedings:Proceedings Fifth World Congress on Computational Mechanics
Publicación arbitrada
Editorial: International Association for Computational Mechanics
Ciudad: Viena, Austria
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Otros

A Descentralized Parallel-Distributed Observability Algorithm (2002)

FAPITALLE F., VAZQUEZ G.E., PONZONI I., BRIGNOLE N.B.
Publicado
Completo
Evento: Internacional
Descripción: Fifth World Congress on Computational Mechanics
Ciudad: Viena, Austria
Año del evento: 2002
Anales/Proceedings:Proceedings Fifth World Congress on Computational Mechanics
Publicación arbitrada
Editorial: International Association for Computational Mechanics
Ciudad: Viena, Austria
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: CD-Rom

Diseño y Desarrollo de un Sistema de Soporte de Decisión para Análisis de Instrumentación de Plantas Industriales (2002)

PONZONI I., VAZQUEZ G.E., CARBALLIDO J., BRIGNOLE N.B.
Publicado
Resumen
Evento: Nacional
Descripción: WICC 2002: IV Workshop de Investigadores en Ciencias de la Computación
Ciudad: Bahía Blanca, Argentina
Año del evento: 2002
Anales/Proceedings:Proceedings WICC 2002
Publicación arbitrada
Editorial: Red UNCI
Ciudad: Bahía Blanca, Argentina
Palabras clave: Ingeniería de procesos Modelamiento Análisis de Instrumentación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Computación /
Medio de divulgación: Papel

Procesamiento Paralelo Distribuido Heterogéneo en Aplicaciones Estructurales y Numéricas (2002)

VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.

Publicado

Resumen

Evento: Nacional

Descripción: WICC 2002: IV Workshop de Investigadores en Ciencias de la Computación

Ciudad: Bahía Blanca, Argentina

Año del evento: 2002

Anales/Proceedings: Proceedings WICC 2002

Publicación arbitrada

Editorial: Red UNCI

Ciudad: Bahía Blanca, Argentina

Palabras clave: Procesamiento Paralelo

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Parallel Depth-First Search on Clusters of Workstations (1999)

RONZONI I., VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: SIAM Annual Meeting 1999

Ciudad: Atlanta, Estados Unidos

Año del evento: 1999

Anales/Proceedings: Proceedings SIAM Annual Meeting 1999

Publicación arbitrada

Editorial: SIAM

Ciudad: Atlanta, Estados Unidos

Palabras clave: Procesamiento Paralelo

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

Parallel Distributed Optimization for Chemical Engineering Applications (1999)

VAZQUEZ G.E., BRIGNOLE N.B.

Publicado

Resumen

Evento: Internacional

Descripción: SIAM Annual Meeting 1999

Ciudad: Atlanta, Estados Unidos

Año del evento: 1999

Anales/Proceedings: Proceedings SIAM Annual Meeting 1999

Publicación arbitrada

Editorial: SIAM

Ciudad: Atlanta, Estados Unidos

Palabras clave: Procesamiento Paralelo Optimización

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /

Medio de divulgación: Papel

ModGen: A Model Generator for Instrumentation Analysis. Industrial Application using New Observability Technique (1998)

VAZQUEZ G.E., RONZONI I., SANCHEZ M., BRIGNOLE N.B.

Publicado

Completo

Evento: Internacional

Descripción: AIChE 1998 Annual Meeting

Ciudad: Miami, Estados Unidos
Año del evento: 1998
Anales/Proceedings: Proceedings AIChE Annual Meeting 1998
Editorial: American Institute for Chemical Engineering
Ciudad: Miami, Estados Unidos
Palabras clave: Ingeniería de procesos Modelamiento Análisis de Instrumentación
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación /
Medio de divulgación: Papel

Producción técnica

PRODUCTOS

VIDEAN (Visual & Interactive Descriptor Analysis) (2014)

, Software
MARTINEZ M.J., SOTO A.J., VAZQUEZ G.E., DÍAZ M.F., PONZONI I.I.
Aplicación Web para la el análisis visual e interactivo descriptores en modelos QSAR-QSPR
País: Argentina
Disponibilidad: Irrestricta
Palabras clave: QSAR Modelado Matemático Visual Analytics
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet
<http://lidecc.cs.uns.edu.ar/VIDEAN/>

Delphos (2009)

, Software
SOTO A.J., CECCHINI R., VAZQUEZ G.E., PONZONI I.I.
Software para la selección automática de descriptores en QSAR
País: Argentina
Disponibilidad: Irrestricta
Institución financiadora: Conicet
Palabras clave: QSAR Molecular Modelling
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática /
Medio de divulgación: Internet
http://lidecc.cs.uns.edu.ar/index.php?option=com_content&view=article&id=47&Itemid=33 (para descarg

DELPHOS is a computational tool for supporting the development of QSAR models. It was mainly aimed at assisting pharmacists who work with QSAR/QSPR prediction models. Nowadays, it comprises a tool for selecting subsets of descriptors. This tool is based on a novel approach which has been recently published in Soto et al. DELPHOS makes use of a two-phase computational method where the first phase executes a multi-objective optimization, using evolutionary algorithms, and the second phase is a thorough validation of the results obtained in the first step. Currently the DELPHOS software has the following features: GUI. A Graphic User Interface designed for using the software without the need to know specific details of the code or the applied methods. Data handling. Input data can be fed to the method using the CSV file format or standard Matlab matrix files. Computation performed after any phase can be saved and later restored. First Phase: Feature Searching and Evaluation. This phase is responsible of doing a coarse searching and a fast evaluation among all feasible subsets of descriptors. Several different parameters could be set for this phase. Second Phase: Learning Method. Using the data computed in the first phase, a thorough evaluation is applied in order to determine which subsets of the coarse selection are the most relevant ones. Post-processing. After the second phase has been executed, tables and graphics showing final results are presented.

Evaluaciones

EVALUACIÓN DE PROYECTOS

COMITÉ EVALUACIÓN DE PROYECTOS

Comité de Evaluación y Seguimiento - Fondo María Viñas (2021)

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Cantidad: De 5 a 20

Comité de Evaluación y Seguimiento - Becas Movilidad tipo Capacitación (2016 / 2020)

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Cantidad: De 5 a 20

Evaluador Técnico - Amplia Cobertura Mayores (2015 / 2015)

Sector Gobierno/Público / Agencia Nacional de Investigación e Innovación / Agencia Nacional de Investigación e Innovación, Uruguay

Cantidad: De 5 a 20

EVALUACIÓN INDEPENDIENTE DE PROYECTOS

Evaluador de Informe Científico-Técnico (2017)

Argentina

Universidad Nacional de la Patagonia Austral

Cantidad: Menos de 5

Evaluador Técnico - Amplia Cobertura Mayores (2015 / 2015)

Uruguay

Cantidad: De 5 a 20

Universidad de Buenos Aires (2014 / 2014)

Argentina

Universidad de Buenos Aires

Cantidad: Menos de 5

Conicet - Ministerio de Ciencia y Tecnología (MinCyT) (2009 / 2013)

Argentina

Conicet - Ministerio de Ciencia y Tecnología (MinCyT)

Cantidad: Menos de 5

Evaluación de proyectos PIP financiados por el Conicet.

EVALUACIÓN DE EVENTOS Y CONGRESOS

ASAI - Simposio Argentino de Inteligencia Artificial (JAII) (2021)

Comité programa congreso

Argentina

SADIO

CIARP 2016: XXI Iberoamerican Congress on Pattern Recognition (2016)

Comité programa congreso

Perú

Arbitrado

CIARP 2015: XX Iberoamerican Congress on Pattern Recognition (2015)

Revisiones

Uruguay

LASCAS 2015 - IEEE CAS VI Latin American Symposium on Circuits & Systems (2015)

Revisiones
Uruguay

IEEE

CLEI 2014: XL Latin American Computing Conference (2014)

Revisiones
Uruguay

3er. Congreso Argentino de Bioinformática y Biología Computacional (2012 / 2019)

Comité programa congreso
Argentina

Miembro de Comité Científico http://bioingenieria.edu.ar/eventos/bioinformatica2012/index.php?option=com_content&view=article&id=31&Itemid=50

EVALUACIÓN DE CONVOCATORIAS CONCURSABLES

Ingresos Carrera de Investigador - Sistema Nacional de Investigación - SENACYT - Panamá (2023 / 2023)

Comité evaluador
Panamá
Cantidad: De 5 a 20
Secretaría Nacional de Ciencias, Tecnología e Innovación - Panamá

Fondo María Viñas (2021)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
ANII

Becas de posgrado nacionales (2020 / 2020)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
ANII

Fondo Sectorial de Investigación a partir de Datos (2017)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
ANII

Fondo Sectorial de Investigación a partir de Datos (2017 / 2018)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: De 5 a 20
ANII

Fondo Clemente Estable - ANII (2017)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Becas de Movilidad ANII (2016 / 2020)

Comité evaluador
Uruguay

Cantidad: De 5 a 20
ANII
Integrante del comité de evaluación y seguimiento de la convocatoria.

Becas de Movilidad Tipo Capacitación (2015 / 2016)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Becas Posgrados Nacionales - ANII (2015)

Evaluación independiente
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Vinculación con Científicos y Tecnólogos en el Exterior (2014)

Comité evaluador
Uruguay
Cantidad: Menos de 5
ANII

Ingreso a Carrera de Investigador Científico (CIC) (2008 / 2012)

Argentina
Cantidad: De 5 a 20
Conicet - Argentina
Tareas de evaluación como par consultor de postulantes a Carrera de Investigador Científico del Conicet.

Convocatoria de Becas de Formación de Posgrado (Doctorales) Tipo I y II (2006 / 2012)

Argentina
Cantidad: De 5 a 20
Conicet

JURADO DE TESIS

Maestría en Bioinformática (2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Pedeciba Bioinformática. Departamento de Bioquímica y Genómica Microbianas. Instituto de Investigaci , Uruguay
Nivel de formación: Maestría
Título de tesis: "Bioinformática aplicada al estudio genómico de las cepas endófitas Kosakonia sp. UYSO10 y Rhizobium sp. UYSO24", Martín Beracocha, PEDECIBA Bioinformática.

Maestría en Gerencia de Tecnologías de la Información (2018)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay / Facultad de Ingeniería y Tecnologías , Uruguay
Nivel de formación: Maestría
Título de la tesis: "Modelos de predicción de comportamientos de clientes, basados en comprobantes fiscales electrónicos". Florencia Cedrés Viera.

Doctorado en Ingeniería Química (2015)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina
Nivel de formación: Doctorado
Tesis de doctorado - Paola Oteiza: "Técnicas metaheurísticas aplicadas al diseño óptimo de redes de cañerías"

Ingeniero en Telecomunicación (2015)

Jurado de mesa de evaluación de tesis

Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay / Facultad de Ingeniería y Tecnologías , Uruguay
Nivel de formación: Grado
Tesis María Ximena Fernández, Rosana García: "Estudio de Patrones y Análisis de EEG"

Doctorado en Informática (2015)

Jurado de mesa de evaluación de tesis
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional de Rosario , Argentina
Nivel de formación: Doctorado
Tesis de doctorado - Javier Murillo: "Caracterización de conjuntos de atributos en problemas de clasificación mediante medias borrosas"

Formación de RRHH

TUTORÍAS CONCLUIDAS

POSGRADO

Selección y uso de un modelo de NLP para desarrollo de un protocolo de atención al cliente (2022 - 2023)

Tesis de maestría
Sector Educación Superior/Público / Universidad Tecnológica / Universidad Tecnológica , Uruguay
Programa: Maestría Profesional en Ciencia de Datos
Tipo de orientación: Tutor único o principal
Nombre del orientado: Federico Detta Segal, Annia Díaz Trivel, Marta Jara Otero
País: Uruguay
Palabras Clave: NLP entaliment

Predicción de Propiedades de Sustancias y Materiales de Interés en la Industria Química a Través del Desarrollo de Métodos Computacionales

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina
Programa: Doctorado en Ciencias de los Materiales
Nombre del orientado: Damián Palomba
País: Argentina
Palabras Clave: QSAR Inteligencia Computacional Polímeros Predicción de propiedades
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias Químicas / Físico-Química, Ciencia de los Polímeros, Electroquímica

El método del gradiente espectral proyectado acelerado mediante paralelismo: Aplicaciones a Ingeniería de Procesos

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina
Programa: Doctorado en Ciencias de la Computación
Nombre del orientado: Juan Ignacio Ardenghi
País: Argentina
Palabras Clave: Procesamiento Paralelo Optimización
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación

Desarrollo de Métodos Analíticos y de Predicción para Informática Molecular Basados en Técnicas de Aprendizaje Automático y Visualización

Tesis de doctorado
Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina
Programa: Doctorado en Ciencias de la Computación
Nombre del orientado: María Jimena Martinez
País: Argentina
Palabras Clave: Chemoinformatics Bioinformatica
Areas de conocimiento:
Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la

Programacion Genetica Aplicada al Ajuste de Datos Experimentales en Problemas de Bioinformática

Tesis de doctorado

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina

Programa: Doctorado en Ciencias de la Computación

Nombre del orientado: Rocío Cecchini

País: Argentina

Palabras Clave: Bioinformatica Algoritmos Evolutivos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Técnicas de aprendizaje automático y computación científica aplicadas a la predicción de parámetros

Adme-Tox

Tesis de doctorado

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina

Programa: Doctorado en Ciencias de la Computación

Nombre del orientado: Axel Soto

País: Argentina

Palabras Clave: Chemoinformatics Algoritmos Evolutivos

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Desarrollo teórico de técnicas meta-heurísticas para resolver problemas de optimización TN (Transit Networks) en entornos dinámicos

Tesis de doctorado

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Universidad Nacional del Sur , Argentina

Programa: Doctorado en Ciencias de la Computación

Nombre del orientado: Ana Carolina Olivera

País: Argentina

Palabras Clave: Algoritmos Evolutivos Transit Network Problem

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

OTRAS

Director de Beca de Formación de Posgrado Tipo I-CONICET

Otras tutorías/orientaciones

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas , Argentina

Nombre del orientado: María Jimena Martinez

País: Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

Director de Beca de Formación de Posgrado Tipo I-CONICET. Período Abril 2012/Marzo 2015.

Lugar de trabajo: Departamento de Ciencias e Ingeniería de la Computación. Universidad Nacional del Sur.

Director de Beca de Formación de Posgrado Tipo I-CONICET.

Otras tutorías/orientaciones

Sector Extranjero/Internacional/Otros / Consejo Nacional de Investigaciones Científicas y Técnicas , Argentina

Nombre del orientado: Julieta Sol Dussaut

País: Argentina

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

CoDirector de Beca de Formación de Posgrado Tipo I-CONICET. Período Abril 2011/Marzo 2014.

Lugar de trabajo: Departamento de Ciencias e Ingeniería de la Computación. Universidad Nacional

del Sur.

TUTORÍAS EN MARCHA

POSGRADO

Aplicación de técnicas de Machine Learning a la optimización de consultas en base de datos relacionales (2022)

Tesis de doctorado

Sector Educación Superior/Privado / Universidad Católica del Uruguay / Escuela de Postgrados , Uruguay

Programa: Doctorado en Ingeniería

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Bernardo Rychtenberg

País/Idioma: Uruguay,

Palabras Clave: Aprendizaje Automático Bases de datos relacionales

Generación automática de desafíos y ayudas para un lenguaje de programación funcional, utilizando inteligencia artificial aplicada (2022)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Área Informática (PEDECIBA) , Uruguay

Programa: Maestría en Informática

Tipo de orientación: Cotutor

Nombre del orientado: Bruno Cattáneo

País/Idioma: Uruguay,

Palabras Clave: NLP Modelos generativos

Aplicación de aprendizaje automático a la prevención de fraude en transacciones de crédito (2016)

Tesis de maestría

Sector Educación Superior/Público / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas / Programa de Desarrollo de las Ciencias Básicas , Uruguay

Programa: Informática

Tipo de orientación: Tutor único o principal

Nombre del orientado: Ignacio Gomez Raggio

País/Idioma: Uruguay, Español

Palabras Clave: Aprendizaje automático Modelos de predicción Detección de fraude Detección de anomalías

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Computación / Aprendizaje automático

Título de tesis genérico de la inscripción a la maestría.

Otros datos relevantes

PREMIOS, HONORES Y TÍTULOS

Tercer Premio Trabajos Estudiantiles (1995)

(Nacional)

SADIO - Sociedad Argentina de Investigación Operativa

Tercer Premio Trabajos Estudiantiles, por el trabajo Sistemas de Lindenmayer (Maller P. A., Ponzoni I., Vazquez G. E.) en el marco del capítulo estudiantil de las 24º Jornadas Argentinas de Informática e Investigación Operativa JAIIO; organizadas por la SADIO del 7 al 9 de agosto de 1995 en UBA - Facultad de Ciencias Exactas, Capital Federal

PRESENTACIONES EN EVENTOS

Jornadas Tecnológicas: Inteligencia Artificial (2019)

Encuentro

Procesamiento del Lenguaje Natural: algunas aplicaciones

Uruguay

Tipo de participación: Conferencista invitado

Nombre de la institución promotora: AGESIC Palabras Clave: Procesamiento de Lenguaje Natural

Jornadas Nacionales de Telecomunicaciones (2019)

Encuentro

Inteligencia artificial: Historia, actualidad y desafíos futuros

Uruguay

Tipo de participación: Conferencista invitado

Nombre de la institución promotora: Unidad Reguladora de Servicios Audiovisuales (URSEC) Areas de conocimiento:

Ingeniería y Tecnología / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Ingeniería Eléctrica, Ingeniería Electrónica e Ingeniería de la Información / Inteligencia Artificial

Difundido en Vera+ <http://veramas.com.uy/veramas/vod/51200>

V Congreso Argentino de Bioinformática (2014)

Congreso

Conferencista Invitado

Argentina

Tipo de participación: Conferencista invitado

Carga horaria: 2

Nombre de la institución promotora: Asociación Argentina de Bioinformática y Biología

Computacional Palabras Clave: Bioinformatica

Areas de conocimiento:

Ciencias Naturales y Exactas / Ciencias de la Computación e Información / Ciencias de la Información y Bioinformática

CONSTRUCCIÓN INSTITUCIONAL

En orden cronológico:

2023-(y continúa): participé en el desarrollo de la carrera de grado de Ingeniería en Inteligencia Artificial y Ciencia de Datos en la Universidad Católica del Uruguay (en evaluación ante el MEC). Actualmente ejerzo en forma interina (en forma simultánea con la dirección del Departamento de Informática) como director de dicha carrera. Las actividades incluyen el diseño curricular, estudio de reválidas, presentación documentación al MEC, gestión de evaluación del MEC de la carrera. Inicio: 2024.

2023: participé de la Mesa de diálogo ?Inteligencia Artificial: oportunidades y desafíos de una estrategia Nacional? y la Mesa de diálogo ?Elaboración de la Estrategia Nacional de Datos" en representación de la Universidad Católica del Uruguay,

2021-2023: lideré el desarrollo de la Maestría en Ciencia de Datos de la Universidad Católica del Uruguay (aprobada ante el MEC - Exp. 2021-2189 - DICTAMEN N° 739 22/11/2022). Las actividades incluyeron el diseño curricular, presentación documentación al MEC, gestión de evaluación del MEC de la carrera y apoyo a la dirección de la carrera. Inicio: 2023.

2020-(y continúa): participé en el desarrollo del nuevo plan de estudios de la carrera de grado de Ingeniería en Informática de la Universidad Católica del Uruguay (Aprobada MEC). Las actividades incluyeron el diseño curricular, estudio de reválidas, presentación documentación al MEC, gestión de evaluación del MEC de la carrera y Presentación a acreditación ARCUSUR (aprobada 2023). Inicio: 2021. Se continúa con el rediseño de los cursos de los años superiores.

Información adicional

A partir de 2023 formo parte de la Asociación Uruguaya de Informática e Investigación Operativa (AUDIO).

Indicadores de producción

ACTIVIDADES	26
Líneas de investigación	4
Proyectos Investigación Desarrollo	14
Docencia	5
Gestión Académica	2

Pasantía	1
PRODUCCIÓN BIBLIOGRÁFICA	69
Artículos publicados en revistas científicas	26
Completo	24
Resumen	2
Trabajos en eventos	41
Libros y Capítulos	2
Capítulos de libro publicado	2
PRODUCCIÓN TÉCNICA	2
Productos tecnológicos	2
EVALUACIONES	30
Evaluación de proyectos	7
Evaluación de eventos	6
Evaluación de convocatorias concursables	12
Jurado de tesis	5
FORMACIÓN RRHH	12
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones concluidas	9
Tesis de doctorado	6
Otras tutorías/orientaciones	2
Tesis de maestría	1
Tutorías/Orientaciones/Supervisiones en marcha	3
Tesis de maestría	2
Tesis de doctorado	1